

eolf-seql.txt
SEQUENCE LISTING

<110> Attomol GmbH

<120> Verfahren zur Durchführung und Auswertung Mix & Measure Assays
für die Messung von Reaktionskinetiken sowie von Konzentrationen
und Affinitäten von Analyten im Multiplexformat

<130> P471207 PCT2

<150> DE 10 2007 031 137.2-41

<151> 2007-06-29

<160> 6

<170> PatentIn version 3.3

<210> 1

<211> 22

<212> DNA

<213> artificial sequence

<220>

<223> primer

<400> 1
catcaccgac ccggagaggg ac 22

<210> 2

<211> 22

<212> DNA

<213> artificial sequence

<220>

<223> primer

<400> 2
gggccaggcg cttgttggtg ta 22

<210> 3

<211> 41

<212> DNA

<213> artificial sequence

<220>

<223> sonde

<400> 3
ggactttgtc ctcaccgccg aactgatttt tttttttttt t 41

<210> 4

<211> 38

<212> DNA

<213> artificial sequence

<220>

<223> sonde

<400> 4
gaccgcttgc tgcaactctc tcagtttttt tttttttt 38

<210> 5

<211> 24

<212> DNA

<213> artificial sequence

eof-seq1.txt

```

<220>
<223>  sonde

<400>  5
tttttttttt tttttttttt tttt                24

<210>  6
<211>  160
<212>  DNA
<213>  artificial sequence

<220>
<223>  internal standard

<400>  6
catcaccgac ccggagaggg acccagcgtg gaccgcttgc tgcaactctc tcagggccag      60
gcggtgaagg gcaatcagct gttgcccgtc tcgctggtga aaagaaaaac caccctggcg    120
cccaatacgc aaaccgccta caccaacaag cgcctggccc                          160

```