

SEQUENCE LISTING

<110> Pierre Fabre Médicament
 <120> Nouveau procédé de génération et de criblage d'une banque
 d'anticorps
 <130> D25994
 <150> FR0708444
 <151> 2007-12-04
 <160> 41
 <170> Patent In version 3.3
 <210> 1
 <211> 29
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle
 <220>
 <223> Amorce I chaîne lourde
 <400> 1
 agcagacccg ggggccagt g gat agacag 29
 <210> 2
 <211> 44
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle
 <220>
 <223> Amorce I chaîne légère
 <400> 2
 tccagat gtt aactgctcac tggat ggt gg gaagat ggat acag 44
 <210> 3
 <211> 20
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle
 <220>
 <223> Amorce II chaîne lourde
 <400> 3
 cgt ctgggcc cccggt cacc 20
 <210> 4
 <211> 19
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle
 <220>
 <223> Amorce II chaîne légère
 <400> 4
 ggt ctacaat t gacgagt g 19
 <210> 5
 <211> 21
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle

<220>
 <223> Amorce III chaîne lourde

<400> 5
 gat agacaga tgggggtgtc g 21

<210> 6
 <211> 19
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle

<220>
 <223> Amorce III chaîne légère

<400> 6
 ggtgggaaga tggat acag 19

<210> 7
 <211> 411
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle

<220>
 <223> Domaine variable chaîne lourde (selon l'invention)

<400> 7
 atggaatgga gctggatctt tctctttctc ctgtcaggaa ctgcaggtgt cctctctgag 60
 gtccagctgc aacagtittg agctgagctg gtgaagcctg gggcttcagt gaagat atcc 120
 tgcaaggctt ctggctacac attcactgac tacaacatgg actgggtgaa gcagagccat 180
 ggaaagagcc ttgagtggat tggagatatt aatcctaact atgacgtac tacctacaac 240
 cagaagt tca agggaaaggc cacattgact gt agacaagt cctccagcac agcctacatg 300
 gagctccgca gcctgacatc tgaggacact gcagtctatt actgtgcaag aaggagat t 360
 acgacggaat ttgactactg gggccaaggc accactctca cagtctctc a 411

<210> 8
 <211> 411
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle

<220>
 <223> Domaine variable chaîne lourde (approche classique)

<400> 8
 atgggatgga gcggggtctt tatctttctc ctgtcaggaa ctgcaggtgt cctctctgag 60
 gtccagctgc aacagtittg agctgagctg gtgaagcctg gggcttcagt gaagat atcc 120
 tgcaaggctt ctggctacac attcactgac tacaacatgg actgggtgaa gcagagccat 180
 ggaaagagcc ttgagtggat tggagatatt aatcctaact atgacgtac tacctacaac 240
 cagaagt tca agggaaaggc cacattgact gt agacaagt cctccagcac agcctacatg 300
 gagctccgca gcctgacatc tgaggacact gcagtctatt actgtgcaag aaggagat t 360
 acgacggaat ttgactactg gggccaaggc accactctca cagtctctc a 411

<210> 9
 <211> 57

<212> DNA
 <213> Séquence artificielle

 <220>
 <223> Séquence nucléique codant pour le peptide signal de la chaîne lourde (selon l'invention)

 <400> 9
 at ggaat gga gct gga t c t t c t c t c t g t c a g g a a c t g c a g g t g t c c t c t c t 57

 <210> 10
 <211> 57
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle

 <220>
 <223> Séquence nucléique codant pour le peptide signal de la chaîne lourde (approche classique)

 <400> 10
 at gggat gga g c g g g g t c t t t a t c t t t c t c t g t c a g g a a c t g c a g g t g t c c t c t c t 57

 <210> 11
 <211> 541
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle

 <220>
 <223> Séquence nucléique codant pour la chaîne lourde totale

 <400> 11
 t c t a g a g g a t c c c c g g g t c t g c t a a a a t a t g t c c a a t g t c c t c t c c a c a g a c a c t g a a c 60
 a c a c t g a c t c t a a c c a t g g a a t g g a g c t g g a t c t t t c t c t t t c t c c t g t c a g g a a c t g c a 120
 g g t g t c c t c t c t g a g g t c c a g c t g c a a c a g t t t g g a g c t g a g c t g g t g a a g c c t g g g g c t 180
 t c a g t g a a g a t a t c c t g c a a g g c t t c t g g c t a c a c a t t c a c t g a c t a c a a c a t g g a c t g g 240
 g t g a a g c a g a g c c a t g g a a a g a g c c t t g a g t g g a t t g g a g a t a t t a a t c c t a a c t a t g a t 300
 c g t a c t a c c t a c a a c c a g a a g t t c a a g g g a a a g g c c a c a t t g a c t g t a g a c a a g t c c t c c 360
 a g c a c a g c c t a c a t g g a g c t c c g c a g c c t g a c a t c t g a g g a c a c t g c a g t c t a t t a c t g t 420
 g c a a g a a g g g a g a t t a c g a c g g a a t t t g a c t a c t g g g g c c a a g g c a c c a c t c t c a c a g t c 480
 t c c t c a g c c a a a a c g a c a c c c c c a t c t g t c t a t c c a c t g g c c c c c g g g a t a c c g a g c t c g 540
 a 541

 <210> 12
 <211> 522
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle

 <220>
 <223> Séquence codant pour la chaîne légère totale (selon l'invention)

 <400> 12
 c g g c c g c a c t a g t g a t a a c a t c t t a a g c a t c c t c t c t t c c a g c t c t c a g a g a t g g a g a c a 60
 g a c a c a c t c c t g c t a t g g g t g c t g c t g c t c t g g g t t c c a g g t t c c a c a g g t g a c a t t g t g 120
 t t g a c c c a a t c t c c a g c t t c t t t g g c t g t g t c t c t a g g g c a g a g g g c c a c c a t a t c c t g c 180

Phoeni xTemp5124. t mp. phx

agagccagt g aaaat gt t ga t agt t at ggc aat agt t t t a t gcact ggt a t cagcagaaa	240
ccaggacagc cacccaaact cct cat ct at cgt gcat cca acct agaat c t gggat ccct	300
gccaggt t ca gt ggcagt gg gt ct aggaca gact t cacco t caccat t aa t cct gt ggag	360
gct gat gat g t t gcaacct a t t act gt caa caaagt aat g aggat ccgt a cacgt t cgga	420
ggggggacca agct ggaaat aaaacgggct gat gct gcac caact gt at c cat ct t ccca	480
ccat ccagt g agcagt t at c ccgcgcccat ggcggccggg ag	522

<210> 13
 <211> 333
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle

<220>
 <223> Domaine variable chaîne légère (sel on i nvent i on)

<400> 13 gacatt gt gt t gacccaat c t ccagct t ct t t ggct gt gt ct ct agggca gagggccacc	60
at at cct gca gagccagt ga aaat gt t gat agt t at ggca at agt t t t at gcact ggt at	120
cagcagaaac caggacagcc acccaaact c ct cat ct at c gt gcat ccaa cct agaat ct	180
gggat ccct g ccaggt t cag t ggcagt ggg t ct aggacag act t caccct caccat t aat	240
cct gt ggagg ct gat gat gt t gcaacct at t act gt caac aaagt aat ga ggat ccgt ac	300
acgt t cggag gggggaccaa gct ggaaat a aaa	333

<210> 14
 <211> 31
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle

<220>
 <223> Amorce primaire chaîne lourde

<400> 14 acaaacgcgt at agccct t g accaggcat c c	31
--	----

<210> 15
 <211> 30
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle

<220>
 <223> Amorce primaire chaîne légère

<400> 15 acaaacgcgt t ggt gggaag at ggat acag	30
--	----

<210> 16
 <211> 20
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle

<220>
 <223> Amorce secondaire chaîne lourde

<400> 16

ct aact ccat ggt gaccct g

20

<210> 17
 <211> 19
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle

<220>
 <223> Amor ce secondaire chaîne légère

<400> 17
 gggct gat gc tgcaccaac

19

<210> 18
 <211> 576
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle

<220>
 <223> Séquence codant pour la chaîne lourde totale (selon l'invention)

<400> 18
 acgcgtttgt acaacat atg tccaatgtcc tctcctcaga cactgaacac actgactcta 60
 accatgggat ggagctggat ctttctcttt ctctgtcag gaactgcagg tgtcctctct 120
 gaggtccagc tgaacagtc tggacctgag ctggtgaagc ctggggcttc agtgaagata 180
 tctgcaaga cttctggata catattcact gcatacacca tgcactgggt gaggcagagc 240
 cttggagaga gccttgactg gat tggaggt attaaaccaa acaatggtct t gct aact ac 300
 aaccagaagt tcaagggcaa ggccacattg actgt agaca agt cct ccag cacagcct ac 360
 atggacctcc gcagcctgac atctgaggat tctgcagtct attactgtgc aagatctgag 420
 attacgacgg aatttgacta ctggggccaa ggcaccgctc t cacagtctc ct cagccaaa 480
 acgacacccc catctgtcta tccactggcc cctggatctg ctgccaaac taactccatg 540
 gtgaccctgg gatgcctggt caagggctat acgcgt 576

<210> 19
 <211> 354
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle

<220>
 <223> Domaine variable chaîne lourde (selon l'invention)

<400> 19
 gaggtccagc tgaacagtc tggacctgag ctggtgaagc ctggggcttc agtgaagata 60
 tctgcaaga cttctggata catattcact gcatacacca tgcactgggt gaggcagagc 120
 cttggagaga gccttgactg gat tggaggt attaaaccaa acaatggtct t gct aact ac 180
 aaccagaagt tcaagggcaa ggccacattg actgt agaca agt cct ccag cacagcct ac 240
 atggacctcc gcagcctgac atctgaggat tctgcagtct attactgtgc aagatctgag 300
 attacgacgg aatttgacta ctggggccaa ggcaccgctc t cacagtctc ctca 354

<210> 20
 <211> 521

<212> DNA

<213> Séquence artificielle

<220>

<223> Séquence codant pour la chaîne lourde totale (selon l'invention)

<400> 20

```

cat atgtcca atgtcctctc ct cagacact gaacacactg actctaacca tgggatggag      60
ctggatcttt ctctttctcc tgtcaggaac tgcaggtgtc ctctctgagg tccagctgca      120
acagtctgga cctgagctgg tgaagcctgg ggcttcagt g aagat atcct gcaagacttc      180
tggat acata ttcactgcat acaccatgca ctgggtgagg cagagccttg gagagagcct      240
tgactggatt ggaggtatta aaccaaacaa tggctctgct aactacaacc agaagttcaa      300
gggcaaggcc acattgactg tagacaagt c ctccagcaca gcctacatgg acctccgcag      360
cctgacatct gaggattctg cagtctatta ctgtgcaaga tctgagatt a cgacggaatt      420
tgactactgg ggccaaggca ccgctctcac agtctcctca gccaaaacga ccccccatc      480
tgtctatcca ctggcccctg gatctgctgc ccaaactaac t                          521

```

<210> 21

<211> 354

<212> DNA

<213> Séquence artificielle

<220>

<223> Domaine variable chaîne lourde (selon l'invention)

<400> 21

```

gaggtccagc tgaacagtc tggacctgag ctggagaagc ctggggcttc agtgaagata      60
tcctgcaaga ctctctggata catattcact gcatacacca tgcactgggt gaggcagagc      120
cttggagaga gccttgactg gat tggaggt attaaaccaa acaatggctc t gct aact ac      180
aaccagaagt tcaagggcaa ggccacattg actgt agaca agtcctccag cacagcctac      240
atggacctcc gcagcctgac atctgaggat tctgcagctc attactgtgc aagatctgag      300
attacgacgg aatttgacta ctggggccaa ggcaccgctc tcacagctctc ctca          354

```

<210> 22

<211> 31

<212> DNA

<213> Séquence artificielle

<220>

<223> Amorçe primaire murine

<400> 22

```

acaaacgcgt ataacccttg accaggcatc c                                     31

```

<210> 23

<211> 30

<212> DNA

<213> Séquence artificielle

<220>

<223> Amorçe primaire murine

<400> 23

acaaacgcgt cagggatcca gaggttccaag 30

<210> 24
 <211> 31
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle

<220>
 <223> Amorçe primaire murine

<400> 24
 acaaacgcgt gtagcctttg acaaggcatc c 31

<210> 25
 <211> 19
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle

<220>
 <223> Amorçe secondaire murine

<400> 25
 actggctcct cggtgactc 19

<210> 26
 <211> 21
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle

<220>
 <223> Amorçe secondaire murine

<400> 26
 agtgactgtg acttggaact c 21

<210> 27
 <211> 19
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle

<220>
 <223> Amorçe secondaire murine

<400> 27
 gtctatccac tggcccctg 19

<210> 28
 <211> 20
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle

<220>
 <223> Amorçe secondaire murine

<400> 28
 ctggatcctc ggtgacactg 20

<210> 29
 <211> 18
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle

<220>

<223> Amorce tertiaire murine
 <400> 29
 gat agaccga tggggctg 18

<210> 30
 <211> 21
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle

<220>
 <223> Amorce tertiaire murine
 <400> 30
 gat agactga tgggggtgtt g 21

<210> 31
 <211> 18
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle

<220>
 <223> Amorce tertiaire murine
 <400> 31
 gat agacaga tggggctg 18

<210> 32
 <211> 24
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle

<220>
 <223> Amorce primaire humaine
 <400> 32
 acgcgtttga ccaggcagcc cagg 24

<210> 33
 <211> 31
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle

<220>
 <223> Amorce primaire humaine
 <400> 33
 acgcgtcaga tttcaactgc tcatcagatg g 31

<210> 34
 <211> 26
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle

<220>
 <223> Amorce primaire humaine
 <400> 34
 acgcgtagtgtggccttggtt ggcttg 26

<210> 35
 <211> 18
 <212> DNA

<213> Séquence artificielle
 <220>
 <223> Amor ce secondaire humaine
 <400> 35
 gccctgggct gcctggtc 18

<210> 36
 <211> 25
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle
 <220>
 <223> Amor ce secondaire humaine
 <400> 36
 catctgatga gcagttgaaa tctgg 25

<210> 37
 <211> 19
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle
 <220>
 <223> Amor ce secondaire humaine
 <400> 37
 caagccaaca aggccacac 19

<210> 38
 <211> 16
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle
 <220>
 <223> Amor ce tertiaire humaine
 <400> 38
 gatgggccct tggtagg 16

<210> 39
 <211> 22
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle
 <220>
 <223> Amor ce tertiaire humaine
 <400> 39
 ggaagatgaa gacagatggt gc 22

<210> 40
 <211> 21
 <212> DNA
 <213> Séquence artificielle
 <220>
 <223> Amor ce tertiaire humaine
 <400> 40
 ggaggggyggg aacagagtga c 21

<210> 41
<211> 19
<212> DNA
<213> Séquence artificielle

<220>
<223> Amorce tertiaire murine

<400> 41
cagt t ggt gc agcat cagc

19