

SEQUENCE LISTING

<110> Commissariat à l'Energie Atomique

<120> Biopuces pour la détection de l'activité enzymatique d'une enzyme
protéase

<130> SP32082 (PCT) / FG

<140> PCT/EP2009/XXXX

<141> 2009-06-10

<150> FR 08/53848

<151> 2008-06-10

<160> 60

<170> PatentIn version 3.5

<210> 1

<211> 8

<212> PRT

<213> unidentified

<400> 1

Gly Pro Gln Gly Leu Leu Gly Ala
1 5

<210> 2

<211> 8

<212> PRT

<213> unidentified

<400> 2

Ala Pro Gln Gly Ile Ala Gly Gln
1 5

<210> 3

<211> 8

<212> PRT

<213> unidentified

<400> 3

Gly Pro Gln Gly Leu Ala Gly Gln

1 5

<210> 4
<211> 8
<212> PRT
<213> unidentified

<400> 4

Gly Pro Leu Gly Ile Ala Gly Ile
1 5

<210> 5
<211> 8
<212> PRT
<213> unidentified

<400> 5

Gly Pro Glu Gly Leu Arg Val Gly
1 5

<210> 6
<211> 8
<212> PRT
<213> unidentified

<400> 6

Tyr Glu Ala Gly Leu Gly Val Val
1 5

<210> 7
<211> 8
<212> PRT
<213> unidentified

<400> 7

Ala Gly Leu Gly Val Val Glu Arg
1 5

<210> 8
<211> 8

<212> PRT
<213> unidentified

<400> 8

Ala Gly Leu Gly Ile Ser Ser Thr
1 5

<210> 9
<211> 8
<212> PRT
<213> unidentified

<400> 9

Gly Ala Met Phe Leu Glu Ala Ile
1 5

<210> 10
<211> 8
<212> PRT
<213> unidentified

<400> 10

Ile Pro Glu Asn Phe Phe Gly Val
1 5

<210> 11
<211> 8
<212> PRT
<213> unidentified

<400> 11

Thr Glu Gly Glu Ala Arg Gly Ser
1 5

<210> 12
<211> 8
<212> PRT
<213> unidentified

<400> 12

Arg Ala Ile His Ile Gln Ala Glu
1 5

<210> 13
<211> 8
<212> PRT
<213> unidentified

<400> 13

Leu Arg Ala Tyr Leu Leu Pro Ala
1 5

<210> 14
<211> 8
<212> PRT
<213> unidentified

<400> 14

Gly Pro Leu Gly Met Arg Gly Leu
1 5

<210> 15
<211> 7
<212> PRT
<213> unidentified

<400> 15

Pro Gln Gly Leu Glu Ala Lys
1 5

<210> 16
<211> 7
<212> PRT
<213> unidentified

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (7)..(7)
<223> X représente D-Arg

<400> 16

Pro Leu Gly Leu Trp Ala Xaa
1 5

<210> 17
<211> 7
<212> PRT
<213> unidentified

<400> 17

Pro Leu Ala Leu Trp Ala Arg
1 5

<210> 18
<211> 6
<212> PRT
<213> unidentified

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> X représente une 3-cyclohexyl alanine (Cha)

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (3)..(3)
<223> X représente un acide alpha amino-butyrique (Abu)

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (4)..(4)
<223> X représente Cys(Me)

<400> 18

Pro Xaa Xaa Xaa His Ala
1 5

<210> 19
<211> 6
<212> PRT
<213> unidentified

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> X représente une 3 cyclohexyl alanine (Cha)

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (4)..(4)
<223> X représente Cys(Me)

<400> 19

Pro Xaa Gly Xaa His Ala
1 5

<210> 20
<211> 6
<212> PRT
<213> unidentified

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> X représente une 3 cyclohexyl alanine (Cha)

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (4)..(4)
<223> X représente Cys(Me)

<400> 20

Pro Xaa Gly Xaa His Ala
1 5

<210> 21
<211> 7
<212> PRT
<213> unidentified

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (5)..(5)
<223> X représente un (N-3(2,4-dinitrophényl)-L-2,3-diaminopropionyle
(Dpa)

<400> 21

Pro Leu Gly Leu Xaa Ala Arg

1 5

<210> 22

<211> 5

<212> PRT

<213> unidentified

<220>

<221> BINDING

<222> (3)..(4)

<223> Les acides aminés 3 et 4 sont séparés par un groupement
-[2-mercapto-4-méthyl-pentanoyl]-

<400> 22

Pro Leu Gly Leu Gly

1 5

<210> 23

<211> 7

<212> PRT

<213> unidentified

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (4)..(4)

<223> X représente Cys(Me)

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (7)..(7)

<223> X représente D-Arg

<400> 23

Pro Leu Gly Xaa His Ala Xaa

1 5

<210> 24

<211> 7

<212> PRT
<213> unidentified

<400> 24

Arg Pro Leu Ala Leu Trp Arg
1 5

<210> 25
<211> 6
<212> PRT
<213> unidentified

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> X représente une 3 cyclohexyl alanine (Cha)

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (4)..(4)
<223> X représente une norvaline (Nva)

<400> 25

Pro Xaa Gly Xaa His Ala
1 5

<210> 26
<211> 9
<212> PRT
<213> unidentified

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (7)..(7)
<223> X représente une norvaline (Nva)

<400> 26

Arg Pro Lys Pro Tyr Ala Xaa Trp Met
1 5

<210> 27

<211> 8
<212> PRT
<213> unidentified

<400> 27

Pro Pro Gly Ala Tyr His Gly Ala
1 5

<210> 28
<211> 8
<212> PRT
<213> unidentified

<400> 28

Gly Pro His Leu Leu Val Glu Ala
1 5

<210> 29
<211> 7
<212> PRT
<213> unidentified

<400> 29

Pro Gln Gly Leu Glu Ala Lys
1 5

<210> 30
<211> 7
<212> PRT
<213> unidentified

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (4)..(4)
<223> X représente une norvaline (Nva)

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (5)..(5)
<223> X représente un (N-3(2,4-dinitrophényl)-L-2,3-diaminopropionyle
(Dpa)

<400> 30

Pro Leu Ala Xaa Xaa Ala Arg

1 5

<210> 31

<211> 7

<212> PRT

<213> unidentified

<400> 31

Pro Leu Gly Met Trp Ser Arg

1 5

<210> 32

<211> 5

<212> PRT

<213> unidentified

<220>

<221> BINDING

<222> (3)..(4)

<223> Les acides aminés 3 et 4 sont séparés par un groupement
-SCH[CH₂CH(CH₃)₂]-CO-

<400> 32

Pro Leu Gly Leu Gly

1 5

<210> 33

<211> 8

<212> PRT

<213> unidentified

<400> 33

Arg Pro Pro Gly Phe Ser Ala Phe

1 5

<210> 34

<211> 8

<212> PRT

<213> unidentified

<400> 34

Arg Val Gly Phe Tyr Glu Ser Asp
1 5

<210> 35

<211> 8

<212> PRT

<213> unidentified

<400> 35

Leu Leu Ser Ala Leu Val Glu Thr
1 5

<210> 36

<211> 8

<212> PRT

<213> unidentified

<400> 36

Glu Ala Ile Pro Met Ser Ile Pro
1 5

<210> 37

<211> 8

<212> PRT

<213> unidentified

<400> 37

Ile Ala Gly Arg Ser Leu Asn Pro
1 5

<210> 38

<211> 8

<212> PRT

<213> unidentified

<400> 38

Lys Pro Gln Gln Phe Phe Gly Leu

1 5

<210> 39
<211> 8
<212> PRT
<213> unidentified

<400> 39

Asp Val Ala Gln Phe Val Leu Thr
1 5

<210> 40
<211> 8
<212> PRT
<213> unidentified

<400> 40

Asp Thr Leu Glu Val Met Arg Lys
1 5

<210> 41
<211> 8
<212> PRT
<213> unidentified

<400> 41

Asp Val Gly His Phe Arg Thr Phe
1 5

<210> 42
<211> 8
<212> PRT
<213> unidentified

<400> 42

Asp Ser Gly Gly Phe Met Leu Thr
1 5

<210> 43
<211> 8

<212> PRT
<213> unidentified

<400> 43

Arg Val Ala Glu Met Arg Gly Glu
1 5

<210> 44
<211> 8
<212> PRT
<213> unidentified

<400> 44

Asp Leu Gly Arg Phe Gln Thr Phe
1 5

<210> 45
<211> 8
<212> PRT
<213> unidentified

<400> 45

Pro Phe Ser Pro Leu Val Ala Thr
1 5

<210> 46
<211> 8
<212> PRT
<213> unidentified

<400> 46

Ala Pro Gly Asn Ala Ser Glu Ser
1 5

<210> 47
<211> 8
<212> PRT
<213> unidentified

<400> 47

Phe Ser Ser Glu Ser Lys Arg Glu
1 5

<210> 48
<211> 8
<212> PRT
<213> unidentified

<400> 48

Pro Pro Glu Glu Leu Lys Phe Gln
1 5

<210> 49
<211> 8
<212> PRT
<213> unidentified

<400> 49

Gly Pro Leu Gly Met Arg Gly Leu
1 5

<210> 50
<211> 12
<212> PRT
<213> unidentified

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (7)..(7)
<223> X représente une norvaline (Nva)

<400> 50

Arg Pro Lys Pro Val Glu Xaa Trp Arg Glu Ala Lys
1 5 10

<210> 51
<211> 7
<212> PRT
<213> unidentified

<400> 51

Pro Tyr Ala Tyr Trp Met Arg
1 5

<210> 52
<211> 8
<212> PRT
<213> unidentified

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (7)..(7)
<223> X représente une norvaline (Nva)

<400> 52

Arg Pro Lys Pro Leu Ala Xaa Trp
1 5

<210> 53
<211> 7
<212> PRT
<213> unidentified

<400> 53

Pro Leu Ala Tyr Trp Ala Arg
1 5

<210> 54
<211> 8
<212> PRT
<213> unidentified

<400> 54

Gly Pro Pro Gly Val Val Gly Pro
1 5

<210> 55
<211> 8
<212> PRT
<213> unidentified

<400> 55

Gly Pro Pro Gly Leu Arg Gly Glu
1 5

<210> 56

<211> 8

<212> PRT

<213> unidentified

<400> 56

Gly Pro Gly Gly Val Val Gly Pro
1 5

<210> 57

<211> 8

<212> PRT

<213> unidentified

<400> 57

Ile Pro Gln Asn Phe Phe Gly Val
1 5

<210> 58

<211> 8

<212> PRT

<213> unidentified

<400> 58

Pro Pro Gly Ala Tyr His Gly Ala
1 5

<210> 59

<211> 8

<212> PRT

<213> unidentified

<400> 59

Arg Pro Lys Pro Gln Gln Phe Trp
1 5

<210> 60
<211> 7
<212> PRT
<213> unidentified

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (4)..(4)
<223> X représente Cys(p-OMeBz)

<400> 60

Pro Leu Ala Xaa Trp Ala Arg
1 5